

Документ подписан простой электронной подписью Информация о владельце: ФИО: Гаскаев Сергей Валерьевич Должность: Ректор	МИНОБРАЗОВАНИЯ И НАУКИ РОССИИ Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования «Челябинский государственный университет» (ФГБОУ ВО «ЧелГУ»)	
Дата подписания: 04.06.2025 15:36:03 Уникальный программный ключ: 04c19ed8bfb9815b6c077a48609a878808322525	Рабочая программа дисциплины "Фармакогеномика" по направлению подготовки (специальности) 30.05.02 "Медицинская биофизика" направленности (профилю) Медицинская биофизика ФГБОУ ВО «ЧелГУ»	стр. 1

Рабочая программа дисциплины (модуля)*

Фармакогеномика

Направление подготовки (специальность)

30.05.02 Медицинская биофизика

Направленность (профиль)

Медицинская биофизика

Присваиваемая квалификация (степень)

Врач-биофизик

Форма обучения

очная

Год(ы) набора 2025

*Рабочая программа дисциплины (модуля) адаптирована для инклюзивного обучения инвалидов и лиц с ограниченными возможностями здоровья

Челябинск 2025 г.



Содержание

1. Цели освоения дисциплины
2. Место дисциплины в структуре ОПОП
3. Компетенции обучающегося, формируемые в результате освоения дисциплины (модуля)
4. Объем дисциплины (модуля)
5. Структура и содержание дисциплины (модуля)
6. Фонд оценочных средств
 - 6.1. Перечень видов оценочных средств
 - 6.2. Типовые контрольные задания и иные материалы для текущей аттестации
 - 6.3. Типовые контрольные вопросы и задания для промежуточной аттестации
 - 6.4. Критерии оценивания
7. Учебно-методическое и информационное обеспечение дисциплины (модуля)
 - 7.1. Рекомендуемая литература
 - 7.2. Перечень ресурсов информационно-телекоммуникационной сети "Интернет"
 - 7.3. Перечень информационных технологий
8. Материально-техническое обеспечение дисциплины (модуля)
9. Методические указания для обучающихся по освоению дисциплины (модуля)
10. Специальные условия освоения дисциплины обучающимися с инвалидностью и ограниченными возможностями здоровья



1. ЦЕЛИ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ

Целью формирования дисциплины "Фармакогеномика" является формирование у обучающихся теоретических основ геномики и протеомики, ознакомление с современными экспериментальными и расчетными методами установления структуры и функций нуклеиновых кислот и белков, выяснения механизмов белок-белковых и белок-ДНК-ых взаимодействий; развитие у будущих специалистов комплексного мышления, позволяющего выявлять генетические причины индивидуальной чувствительности пациента к лекарственным средствам, которое позволит быстрее освоить существующие тесты определения наследственных факторов, определяющих эффективность и переносимость лекарственных веществ, и разрабатывать новые лекарственные соединения в соответствии с прогрессом современной генетики и фармакологии.

Задачами изучения дисциплины являются:

- сформировать знания о биохимических маркерах индивидуальных особенностей метаболизма лекарственных веществ и генов рецепторов лекарственных веществ, о биологической роли мутаций различных генов, определяющих фармакокинетику и фармакодинамику лекарственных веществ, о возможностях и ограничениях методов гено- и фенотипирования, перспективах генотерапии;

- сформировать умения использовать накопленные в базах данные по структуре геномов, белков, уровнях их функционирования, стабильности, полиморфизме и другой биологической информации для изучения фармакологических свойств и механизмов действия новых лекарственных препаратов;

- сформировать навыки методологии экспериментальных фармакогенетических исследований, принципам экстраполяции данных на человека.

Результаты обучения по дисциплине направлены на достижение индикаторов:

ПК-2.4. Способен к проведению прикладных и поисковых научных исследований, направленных на улучшение и разработку новых методов скрининга и ранней диагностики патологических процессов, технологий персонализированной медицины, эффективности лечения.

2. МЕСТО ДИСЦИПЛИНЫ В СТРУКТУРЕ ОПОП

Цикл (раздел) ОПОП: Б1.В.01.ДВ.01.02

2.1 Требования к предварительной подготовке обучающегося:

Фармакология

Органическая химия

2.2 Дисциплины и практики, для которых освоение данной дисциплины (модуля) необходимо как предшествующее:

Организация научных и медико-биологических исследований

3. КОМПЕТЕНЦИИ ОБУЧАЮЩЕГОСЯ, ФОРМИРУЕМЫЕ В РЕЗУЛЬТАТЕ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ (МОДУЛЯ)

ПК-2: Способен к разработке, организации и выполнению фундаментальных научных исследований и разработок в области медицины и биологии с целью выяснения молекулярных механизмов физиологических и патологических процессов

Знать:

Для достижения ПК-2.4 знать: принципы проведения прикладных и поисковых научных исследований генетических особенностей организма, влияющие на эффективность лекарственных средств, направленных на улучшение и разработку новых методов скрининга и ранней диагностики наследственных заболеваний, технологий персонализированной медицины, эффективности лечения.

Уметь:

Для достижения ПК-2.4 уметь: проводить прикладные и поисковые научные исследования анализа возможностей развития побочных реакций на лекарственные средства, связанные с генетическими особенностями организма, направленных на улучшение и разработку новых методов скрининга и ранней их диагностики, технологий персонализированной медицины, эффективности лечения.

Владеть:

Для достижения ПК-2.4 владеть: навыками анализа возможности развития побочных реакций на лекарственные средства, связанные с генетическими особенностями организма, направленными на улучшение и разработку новых методов скрининга и ранней диагностики наиболее часто встречающихся наследственных и хромосомных



заболеваний, технологий персонифицированной медицины, эффективности лечения.

В результате освоения дисциплины обучающийся должен

3.1	Знать:
3.1.1	генетические особенности организма, влияющие на эффективность лекарственных средств; методологию изучения фармакологических свойств и механизмов действия новых лекарственных препаратов механизмы сохранения информации живыми системами и реализации программ, заложенных геномами методы структурного и функционального анализа геномов, инструменты для сравнения геномов.
3.2	Уметь:
3.2.1	анализировать возможность развития побочных реакций на лекарственные средства, связанные с генетическими особенностями организма; использовать методологию изучения фармакологических свойств и механизмов действия новых лекарственных препаратов находить и грамотно использовать информацию, накопленную в базах данных по структуре геномов, белков, и другой биологической информации, применять знания о структуре, уровнях функционирования, стабильности и полиморфизме геномов.
3.3	Владеть:
3.3.1	навыки использования методологии изучения фармакологических свойств и механизмов действия новых лекарственных препаратов; навыки анализа возможности развития побочных реакций на лекарственные средства, связанные с генетическими особенностями организма; структурного и функционального анализа геномов.

4. ОБЪЕМ ДИСЦИПЛИНЫ (МОДУЛЯ)

Общая трудоемкость	3 ЗЕТ
Часов по учебному плану : 108 в том числе : аудиторные занятия : 50 самостоятельная работа : 30,8 часов на контроль : 18 контактная работа: 59,2 ИКР: 9,2	Виды контроля в семестрах: экзамены 7

5. СТРУКТУРА И СОДЕРЖАНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ (МОДУЛЯ)

Код занятия	Наименование разделов и тем /вид занятия/	Семестр / Курс	Часов	Литература
	Раздел 1. Структура геномов.			
1.1	Анализ геномов. Генетическое и физическое картирование. Низко- и высоко-разрешающее картирование. Рестрикционное картирование. Полиморфизм и молекулярные маркеры. Хромосом-специфичные библиотеки. Создание геномной библиотеки. Построение контига. Секвенирование. Использование геномных карт для генетического анализа. /Лек/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
1.2	Технологии рекомбинантных ДНК. Метод молекулярного клонирования. Автономные репликоны и их свойства. Векторы и их организация. Клонирование векторы. Метод амплификации ДНК – полимеразная цепная реакция (ПЦР). Обратнo-транскриптазная ПЦР. Методы детекции. Гель-электрофорез для разделения молекул ДНК по размеру. кДНК. Методы получения кДНК. Идентификация и клонирование специальных генов Библиотеки ДНК. Методы скрининга библиотек ДНК. ДНК-гибридизация и пульс-электрофорез. /Пр/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3



1.3	Пиросеквенирование. Поиск генов в секвенированных последовательностях. Локализация и границы генов, выявление экзонов и интронов, повторяющихся элементов генома, структурных элементов (промоторов, энхансеров, сайленсеров и др.). Базы данных нуклеотидных последовательностей (Nucleotide databases) GenBank, EMBL Nucleotide Sequence Database, UniGene. /Пр/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
1.4	Выравнивание нуклеотидных последовательностей. /Ср/	7	4	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
Раздел 2. Сравнительная и функциональная геномика.				
2.1	Сателлитная ДНК-основа ДНК-полиморфизма. Содержание и локализация в хромосомах, классификация. Гаплотипы и гаплотипирование. Биотехнологии картирования геномов на основе гаплотипирования, использование ДНК-гаплотипирования в практике. Значимость и функциональная роль сателлитной ДНК. Мобильные ДНК геномов. Строение и классификация. /Лек/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
2.2	Механизмы формирования динамичности протеома. Три уровня функционирования: базовые функции белков-продуктов, физиологические функции и функции на уровне организма. Типы взаимодействия генов, лежащие в основе функционирования геномов. Протеом и границы функционирования геномов. Транскриптомика. Характеристика транскриптома. Технология микрочипирования и гибридизации. Скрининг геномной библиотеки с помощью гибридизационных РНК-зондов. Выявление специфических клонов мРНК и кДНК. Практическое применение блот-методологии. EST выравнивание клонов для характеристики транскриптов. /Лек/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
2.3	Основы кластерного анализа, сравнительный анализ организации и структуры генов и геномов плазмид, вирусов, органелл, прокариот и эукариот. Основы геномной эволюции. Роль мобильных элементов и динамика их усложнения в филогенезе. IS-элементы, транспозоны, вирусные и невирусные ретротранспозоны, процессированные псевдогены. Механизмы ретротранспозиции. Роль ретротранспозонов в геноме человека. Роль обратной транскрипции в эволюции геномов /Пр/	7	4	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
2.4	Инструменты сравнительной геномики. (COGs и KOGs; String, SEED). Филогенетическая классификация белков (Clusters of Orthologous Groups of proteins, COGs) как результат сравнения белковых последовательностей по полным геномам представителей важнейших филогенетических групп организмов. Программа HomoloGene как инструмент базы данных National Center for Biotechnology Information (NCBI) для автоматической детекции гомологов. /Пр/	7	4	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
2.5	Белок-ДНКовые взаимодействия. Техники ChIP-Chip и ChIP-Seq. ChIP-Chip как техника, объединяющая иммунопреципитацию хроматина (chromatin immunoprecipitation - ChIP) с технологией ДНК-чипов (microarray technology, DNA-chips). Применение техники для исследования ДНК-белковых взаимодействий in vivo. ChIP-Seq как техника, объединяющая иммунопреципитацию хроматина (ChIP) с масштабным параллельным секвенированием ДНК. /Пр/	7	4	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
2.6	Алгоритм SEED. /Ср/	7	4	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
2.7	Применение для идентификации сайтов связывания белков. /Ср/	7	4	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
Раздел 3. Медицинская геномика. Метагеномика.				



3.1	Биомедицинские исследования геномов. Генодиагностика. Превентивная медицина и геномный полиморфизм. Досимптоматическая диагностика генных болезней. Генотерапия. Генная иммунизация. Генопаспортизация. Этика геномных исследований и проблемы генетической безопасности. Генная терапия клеток зародышевой линии и соматических клеток. Этические-правовые аспекты проекта. Геном человека. Банк генов и белков. /Лек/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
3.2	Базы данных геномов, мРНК и белков. Анализ генов и выяснение их функции по структурной гомологии. Концепция гомология структур-аналогия функций. Анализ геном-транскриптом-протеом для выявления границ экспрессии генома. /Пр/	7	4	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
3.3	Секвенирование 16S РНК и других маркеров. Тотальное секвенирование и функциональные интерпретации. Метагеном – генетический материал, получаемый напрямую из образцов среды: с учетом некультивируемых микроорганизмов, наряду с культивируемыми. Метагеномика как «геномика окружающей среды» или «эко геномика». /Пр/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
3.4	Программное обеспечение. Базы данных геномов, мРНК и белков. /Ср/	7	6	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
Раздел 4. Генетические основы индивидуальной чувствительности к лекарствам. Генетический контроль метаболизма лекарственных веществ.				
4.1	Метаболизм лекарственных соединений. Цитохром Р-450, его структура и функции, основные свойства этого фермента. Гидроксильрование субстратов на цитохромоме Р-450. Генетический полиморфизм изоферментов суперсемейства цитохромов Р-450. Межиндивидуальные различия в скорости метаболизма ЛВ. Метаболическое отношение как фенотипический показатель скорости метаболизма лекарственного вещества у конкретного индивида. Индукторы и ингибиторы основных изоформ цитохрома Р-450. Их роль при комбинированном применении лекарственных веществ. Практическое значение фенотипирования индивидуумов по изоферментам цитохрома Р-450 N-ацетилирование. Генетические различия в способности к ацетилированию. Мутантные формы N-ацетилтрансферазы. Этнические различия. Распространенность в популяциях. Проявление лекарственного эффекта у быстрых и слабых ацетиляторов. Роль полиморфизма ацетилирования в патогенезе заболеваний. Методы типирования. /Лек/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
4.2	Наследственная зависимость фармакокинетических и фармакодинамических процессов. Методология экспериментальных фармакогенетических исследований. Проблемы фармакогенетических тестов на пути к клинической практике. /Пр/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2
4.3	Лекарственные средства, эффективность которых зависит от реакции метилирования. Индивидуальные реакции и побочные эффекты. Эндогенные субстраты, значение для патогенеза заболеваний. Методы типирования. Биотрансформация этанола и других спиртов. Полиморфизм ферментов, его значение для проявления токсического действия спиртов и альдегидов. Активность ферментов и потребление этанола, методы их типирования. Полиморфизм параоксон/арилэстеразы, фармакологическое и токсикологическое значение полиморфизма фермента. Молекулярная генетика. Методы типирования и его целесообразность для профессионального отбора. Фармакогенетика реакций конъюгации. Полиморфизм трансфераз. Молекулярная генетика атипичных форм. Наследование, распространенность. Методы типирования. /Пр/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3



4.4	Фармакогенетика метилирования. /Ср/	7	4	Л1.1Л2.1 Л2.2 Э1 Э2 Э3
Раздел 5. Частная фармакогенетика.				
5.1	Фармакогенетические исследования I фазы биотрансформации. Фармакогенетические исследования II фазы биотрансформации. Фармакогенетика не прямых антикоагулянтов. Генетический полиморфизм CYP2C9 и не прямые антикоагулянты. Полиморфизм генов, ответственных за фармакодинамику не прямых антикоагулянтов. Фармакогенетика β-адреноблокаторов. Полиморфизм генов, ответственных за фармакокинетику и фармакодинамику β –адреноблокаторов. /Лек/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2
5.2	Клиническая фармакогенетика блокаторов рецепторов ангиотензина II. Полиморфизм генов, ответственных за фармакокинетику и фармакодинамику блокаторов рецепторов ангиотензина II. Фармакогенетика статинов. Полиморфизм генов, ответственных за фармакокинетику и фармакодинамику статинов. Фармакогенетика антиагрегантов. Фармакогенетика клопидогрела /Лек/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2
5.3	Фармакогенетика блокаторов ПВ-ША гликопротеиновых рецепторов. Фармакогенетика нестероидных противовоспалительных препаратов. Фармакогенетика азатиоприна. Фармакогенетика сульфасалазина. Фармакогенетика метотрексата. /Лек/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2
5.4	Фармакогенетика не прямых антикоагулянтов. Генетический полиморфизм CYP2C9 и не прямые антикоагулянты. Полиморфизм генов, ответственных за фармакодинамику не прямых антикоагулянтов. Фармакогенетика β-адреноблокаторов. Полиморфизм генов, ответственных за фармакокинетику и фармакодинамику β –адреноблокаторов. /Пр/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2
5.5	Фармакогенетика блокаторов рецепторов ангиотензина II. Полиморфизм генов, ответственных за фармакокинетику и фармакодинамику блокаторов рецепторов ангиотензина II. /Пр/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2
5.6	Фармакогенетика статинов. Полиморфизм генов, ответственных за фармакокинетику и фармакодинамику статинов. Фармакогенетика антиагрегантов. Фармакогенетика клопидогрела. Фармакогенетика блокаторов ПВ-ША гликопротеиновых рецепторов. /Пр/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2
5.7	Фармакогенетика нестероидных противовоспалительных препаратов. Фармакогенетика азатиоприна. Фармакогенетика сульфасалазина. Фармакогенетика метотрексата. /Пр/	7	2	Л1.1Л2.1 Л2.2
5.8	Подготовка к экзамену /Ср/	7	8,8	Л1.1Л2.1 Л2.2
5.9	Индивидуальные консультации, текущий контроль /ИКР/	7	9,2	

6. ФОНД ОЦЕНОЧНЫХ СРЕДСТВ

6.1. Перечень видов оценочных средств

Текущая аттестация: устный опрос, ситуационные задачи.

Промежуточная аттестация: экзамен в виде тестирования и решения ситуационных задач.

6.2. Типовые контрольные задания и иные материалы для текущей аттестации

Пример вопросов для устного опроса:

1. Предмет и задачи геномики
2. Источники данных. Секвенаторы второго поколения
3. Методы установления первичной структуры ДНК. Проект —Геном человека
4. Базы данных нуклеотидных последовательностей
5. Выравнивание" нуклеотидных последовательностей
6. Организация генома прокариот. Минимальный бактериальный геном
7. Организация генома эукариотического организма
8. Структура про- и эукариотических генов



9. Протеомные данные. Взаимосвязь геномики и протеомики

10. Масс-спектрометрия в протеомике.

Пример ситуационных задач для текущего контроля:

1. Фрагмент человеческой ДНК длиной 4 тысячи нуклеотидных пар имеет два сайта рестрикции для фермента EcoRI. Как будет выглядеть электрофореграмма, окрашенная этидием бромидом, после электрофореза в агарозном геле образца данной ДНК, разрезанной этой рестриктазой на неровные части?
2. При помощи рестриктазы Pst I получен фрагмент двухцепочечной ДНК с липкими концами. Можно ли встроить данный фрагмент в плазмиду pBR322? Как подтвердить, что фрагмент чужеродной ДНК встроен в плазмиду pBR322?

6.3. Типовые контрольные вопросы и задания для промежуточной аттестации

Пример тестов для экзамена:

1. OMIM- это база данных:

- А) белков
- Б) заболеваний +
- В) нуклеотидов
- Г) геномов

2. SNPedia – это база данных

- А) белков
- Б) геномов
- В) однонуклеотидных полиморфизмов, вызывающих заболевания +
- Г) лекарств

3. Для построения геномной библиотеки используют:

- а) полные ДНК нескольких популяций
- б) фрагменты ДНК нескольких организмов
- в) фрагменты ДНК одной популяции
- г) фрагменты ДНК одного организма +

4. В качестве вектора для введения чужого гена в животную клетку используют:

- а) ретровирусы +
- б) плазмиды бактерий
- в) ДНК хлоропластов и митохондрий
- г) вириды

5. Применение аденоассоциированных вирусов в генотерапии имеет преимущество по сравнению с ретро вирусами по причине:

- А) векторы на основе аденоассоциированных вирусов встраиваются в строго определенном месте ДНК +
- Б) векторы на основе аденоассоциированных вирусов вызывают сильный иммунный ответ
- В) могут переносить большие гены.

Пример ситуационных задач для экзамена:

1. Рестриктонный фермент Hind III разрезает ДНК по последовательности ААГЦТТ. Насколько часто этот фермент будет разрезать двухцепочечную ДНК? (Иными словами, какова средняя длина фрагментов разрезанной ДНК?)

Решение:

Нам необходимо рассмотреть только одну цепочку ДНК, поскольку обе цепочки имеют одинаковые, симметричные последовательности, хотя и разнонаправленные. Частота встречаемости фрагмента из 6 нуклеотидных пар для Hind III составит $(1/4)^6 = 1/4096$, так как вероятность для одного нуклеотида (допустим А) занять конкретное место в цепочке ДНК составляет $1/4$, а таких мест имеется 6. Следовательно, среднее расстояние между участками разрезания рестриктазой Hind III составит около 4 тысяч нуклеотидных пар (4 тысячи баз или 4 килобазы).

2. Мутация, вызывающая болезнь – серповидно-клеточная анемия (СКА), обусловлена заменой всего одного нуклеотида в ДНК β-глобинового гена. Причем, в результате этой мутации пропадает сайт рестрикции для фермента MstII, который присутствует в нормальном гене. Как можно использовать эту информацию для консультации семей, проживающих в районах высокой концентрации этой мутации, на предмет выявления носителей данного наследственного заболевания? Какие молекулярно-генетические эксперименты для этого необходимо провести?

Решение:

Мутацию β-глобинового гена, приводящую к заболеванию можно достаточно легко выявлять, используя молекулярно-генетические методы. Для этого необходимо индивидуальные образцы ДНК обработать рестриктазой MstII. Затем, полученные рестриктонные фрагменты подвергнуть электрофоретическому фракционированию в агарозном геле с последующей Саузерн-блот гибридизацией, используя в качестве зонда меченый фрагмент β-глобиновой ДНК. Поскольку в результате мутационной замены нуклеотида в ДНК β-глобинового гена происходит потеря сайта рестрикции для MstII, который присутствует в нормальном гене, то на автордиограмме образцов, взятых у здоровых людей будут присутствовать две фракции (размером 1.1 и 0.2 kb), тогда как в образцах, взятых у



людей страдающих серповидно-клеточной анемией, будет присутствовать дополнительная «тяжелая» (неразрезанная) фракция ДНК (величиной 1.3 kb). Таким образом, для консультации семей, проживающих в районах высокой концентрации мутации, вызывающей серповидно-клеточную анемию, наиболее целесообразно использовать молекулярно-генетические методы, включающие рестрикционный и Саузерн-блот анализ, которые дают возможность достаточно легко выявлять носителей данного заболевания.

6.4. Критерии оценивания

Критерием успешности освоения учебного материала является экспертная оценка преподавателя, учитывающая регулярность посещения лекционных и семинарских занятий, знаний теоретического раздела программы по дисциплине (в том числе материала самостоятельной работы), которые оцениваются устным опросом по вопросам темы, по качеству решения ситуационных задач и тестов. Качество усвоения знаний завершается экзаменом.

Оценка устного ответа обучающегося на семинарском занятии:

Оценка «отлично» выставляется обучающемуся, если он владеет понятийным аппаратом, демонстрирует глубину и полное овладение содержанием учебного материала, в котором легко ориентируется; дал полный ответ и показал глубокие знания по каждому из вопросов.

Оценка «хорошо» выставляется обучающемуся за умение грамотно излагать материал, но при этом содержание и форма ответа могут иметь отдельные неточности;

Оценка «удовлетворительно» выставляется, если обучающийся обнаруживает знания и понимание основных положений учебного материала, но излагает его неполно, непоследовательно, допускает неточности в определении понятий, не умеет доказательно обосновывать свои суждения;

Оценка «неудовлетворительно» выставляется, если обучающийся имеет разрозненные, бессистемные знания, не умеет выделять главное и второстепенное, допускает ошибки в определении понятий, искажает их смысл.

Критерии оценки решения ситуационной задачи:

5 «отлично» (высокий уровень) – комплексная оценка предложенной ситуации; знание теоретического материала с учетом междисциплинарных связей, правильный выбор тактики действий; последовательное, уверенное выполнение практических манипуляций;

4 «хорошо» (средний уровень) – комплексная оценка предложенной ситуации, незначительные затруднения при ответе на теоретические вопросы, неполное раскрытие междисциплинарных связей; правильный выбор тактики действий; логическое обоснование теоретических вопросов с дополнительными комментариями педагога; последовательное, уверенное выполнение практических манипуляций;

3 «удовлетворительно» (базовый уровень) – затруднения с комплексной оценкой предложенной ситуации; неполный ответ, требующий наводящих вопросов педагога; выбор тактики действий в соответствии с ситуацией возможен при наводящих вопросах педагога, правильное последовательное, но неуверенное выполнение манипуляций;

2 «неудовлетворительно» (недостаточный уровень) – неверная оценка ситуации; неправильно выбранная тактика действий, приводящая к ухудшению ситуации.

Промежуточная аттестация проводится в форме экзамена. Экзамен проводится в два этапа. На первом этапе студент решает 40 тестовых вопросов закрытого типа. На каждый вопрос предлагается несколько вариантов ответа, правильный только один вариант. На втором этапе обучающийся решает ситуационную задачу.

Критерии оценки теста:

- оценка «отлично» выставляется студенту, если задание выполнено на 91-100% (высокий уровень освоения проверяемых компетенций);

- оценка «хорошо» выставляется студенту, если задание выполнено на 81-90% (средний уровень освоения проверяемых компетенций);

- оценка «удовлетворительно» выставляется студенту, если задание выполнено на 70-80% (базовый уровень освоения проверяемых компетенций);

- оценка «неудовлетворительно» выставляется студенту, если задания выполнено менее чем на 70% (недостаточный уровень освоения проверяемых компетенций).

7. УЧЕБНО-МЕТОДИЧЕСКОЕ И ИНФОРМАЦИОННОЕ ОБЕСПЕЧЕНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ (МОДУЛЯ)

7.1. Рекомендуемая литература

7.1.1. Основная литература

	Авторы,	Заглавие	Издательство,	Ресурс
Л1.1	Субботина Т.Н., Николаева П.А., Харсекина А.Е.	Молекулярная биология и геновая инженерия: учебное пособие (https://znanium.com/catalog/document?id=342136)	Красноярск : Сибирский федеральный университет, 2018	ЭБС

7.1.2. Дополнительная литература



	Авторы,	Заглавие	Издательство,	Ресурс
Л2.1	Попов В. В.	Геномика с молекулярно-генетическими основами: [монография]	Москва: [Либроком, 2014]	
Л2.2	Телегин Л.Ю.	Фармакогенетика циклофосамида: монография (https://znanium.com/catalog/document?id=161343)	Москва : ООО "Научно-издательский центр ИНФРА-М", 2017	ЭБС

7.2. Перечень ресурсов информационно-телекоммуникационной сети "Интернет"

Э1	Ресурс Национального центра биотехнологической информации США является частью Национальной библиотеки медицины США https://www.ncbi.nlm.nih.gov/
Э2	Сайт института биологии гена Российской академии наук http://www.genebiology.ru/
Э3	Сайт Европейского института биоинформатики https://www.ebi.ac.uk/pdbe/ https://www.ebi.ac.uk/ena/browser/home

7.3 Перечень информационных технологий

7.3.1 Программное обеспечение

Adobe Reader

LMS Moodle

7.3.2 Профессиональные базы данных и информационно-справочные системы

Научная электронная библиотека eLIBRARY.RU (<https://elibrary.ru/defaultx.asp?>) eLIBRARY.RU: научная электронная библиотека: сайт. – Москва, 2000 –. – URL: <https://elibrary.ru>. – Режим доступа: для зарегистрир. пользователей. – Текст: электронный.

Национальная электронная библиотека (НЭБ) (<https://rusneb.ru/>) Национальная электронная библиотека (НЭБ) : объединенный электронный каталог фондов российских библиотек : сайт. – URL: <http://нэб.рф>. – Режим доступа: из читальных залов библиотеки ЧелГУ. – Текст: электронный.

8. МАТЕРИАЛЬНО-ТЕХНИЧЕСКОЕ ОБЕСПЕЧЕНИЕ ДИСЦИПЛИНЫ (МОДУЛЯ)

Лекционные занятия проводятся в лекционных аудиториях. Для проведения занятий лекционного типа предлагаются наборы демонстрационного оборудования (ноутбук, проектор, экран, колонки) и учебно-наглядных пособий (презентации по всем разделам дисциплины).

Для проведения занятий семинарского типа в университете аудитория оборудована мультимедийным комплексом и экраном для демонстрации слайдовых презентаций и видеоматериалов.

Помещения для самостоятельной работы оснащены компьютерной техникой с возможностью подключения к сети «Интернет» и обеспечением доступа в электронную информационно-образовательную среду университета, куда каждый обучающийся в течение всего периода обучения обеспечен индивидуальным неограниченным доступом.

9. МЕТОДИЧЕСКИЕ УКАЗАНИЯ ДЛЯ ОБУЧАЮЩИХСЯ ПО ОСВОЕНИЮ ДИСЦИПЛИНЫ (МОДУЛЯ)

Важнейшим этапом семинарского занятия является самостоятельная работа обучающихся. Самостоятельная работа обучающихся складывается из нескольких разделов: 1. Теоретическая самоподготовка обучающихся по некоторым учебным темам, входящим в примерный тематический учебный план, преимущественно по генетическим особенностям организма, влияющих на эффективность лекарственных средств; методологии изучения фармакологических свойств и механизмов действия новых лекарственных препаратов и т.д. 2. Знакомство с дополнительной учебной литературой и другими учебными методическими материалами, закрепляющими некоторые практические навыки обучающихся (учебными аудио- и видефильмами, наборами лабораторных анализов и т.п.).

10. СПЕЦИАЛЬНЫЕ УСЛОВИЯ ОСВОЕНИЯ ДИСЦИПЛИНЫ ОБУЧАЮЩИМИСЯ С ИНВАЛИДНОСТЬЮ И ОГРАНИЧЕННЫМИ ВОЗМОЖНОСТЯМИ ЗДОРОВЬЯ

Освоение дисциплины инвалидами и лицами с ограниченными возможностями здоровья осуществляется с использованием специальных технических средств и информационных технологий, предоставляемых Ресурсным учебно-методическим центром по обучению инвалидов и лиц с ограниченными возможностями здоровья ЧелГУ по запросу обучающегося (мобильные специальные технические средства для лиц с нарушениями зрения и с нарушением слуха, ассистивные информационные технологии).



При необходимости для обучающихся с нарушениями зрения на рабочих местах для проведения практических или лабораторных занятий устанавливается специальное программное обеспечение (программа речевой навигации, речевые синтезаторы, экранные лупы).

В учебные аудитории обеспечивается беспрепятственный доступ для обучающихся с инвалидностью и с ограниченными возможностями здоровья. В каждой аудитории, где обучаются инвалиды и лица с ограниченными возможностями здоровья, предусматривается соответствующее количество мест для обучающихся с учетом нарушений их здоровья.

Для освоения дисциплины инвалидам и лицам с ограниченными возможностями здоровья предоставляется доступ к печатным источникам, имеющимся в научной библиотеке ЧелГУ, с помощью специальных технических средств; доступ с помощью специальных технических и программных средств к электронным источникам, представленным в форме электронного документа в фонде научной библиотеки ЧелГУ или электронно-библиотечных системах.

Учебно-методические материалы для обучающихся из числа инвалидов и лиц с ограниченными возможностями здоровья предоставляются в формах, адаптированных к ограничениям их здоровья и особенностям восприятия информации.

Для инвалидов и лиц с ограниченными возможностями здоровья освоение дисциплины может быть частично или полностью осуществлено с использованием дистанционных образовательных технологий.

При проведении промежуточной аттестации по дисциплине обучающимся с инвалидностью и с ограниченными возможностями здоровья обеспечивается по их заявлению предоставление в доступной форме в зависимости от их индивидуальных особенностей инструкции о порядке проведения промежуточной аттестации, оценочных средств и возможности ответов на задания (письменно на бумаге, набор ответов на компьютере, письменно шрифтом Брайля, с использованием услуг ассистента, устно).

При проведении процедуры оценивания результатов обучения инвалидов и лиц с ограниченными возможностями здоровья предусматривается использование предоставленных ЧелГУ или собственных технических средств, необходимых им в связи с их индивидуальными особенностями. При необходимости инвалидам и лицам с ограниченными возможностями здоровья предоставляется дополнительное время для подготовки ответа на задания, процедура оценивания результатов обучения по дисциплине может проводиться в несколько этапов.

